

Evaluation de la diversité génétique de quelques cultivars de palmier dattier (*Phoenix dactylifera* L.) à l'aide de marqueurs SSR

Karima BOUCHEMAL¹, BENHAMADA Imen¹, BOUGHEDDAD Amina¹, Ryma BOULDJADJ¹ et Abdelhamid Djekoun¹

¹ Laboratoire de Génétique, Biochimie et Biotechnologies végétales, Equipe de Biotechnologie et Amélioration des Plantes, Chaabet El Rassas, Université des Frères Mentouri, Constantine 1-Algérie.

Email : karima.bouchemal@umc.edu.dz

L'Algérie figure parmi les grands pays à fort potentiel phoenicicole. Cependant, peu de données sont disponibles sur le germoplasme des palmiers dattiers du pays. Les marqueurs microsatellites contenant des séquences simples répétées (SSR), s'avèrent être un outil précieux pour l'analyse génétique et la caractérisation des plantes. Ainsi, dans la présente étude, 5 amorces microsatellites ont été utilisées sur 15 cultivars de palmiers dattier locaux. Seulement 3 paires d'amorces ont été amplifiées et leurs produits d'amplification ont été révélés par électrophorèse sur gel d'agarose. Les résultats montrent que les différents génotypes présentent peu ou pas de polymorphisme avec les deux marqueurs SSR : mPdCIR16, mPdCIR32. Cependant, un total de 18 allèles a été identifié avec le marqueur mPdCIR70 avec un taux de polymorphisme de 90%. L'analyse UPGMA qui a montré une structure génétique conservée pour les trois génotypes mâles (MALE1, MALE2, MALE3) et les deux génotypes femelles GHE et TINA, suggère que ces pollinisateurs mâles pourraient être nommés comme le type femelle de ces deux cultivars. Cette approche moléculaire a permis également d'identifier le marqueur mPdCIR70 comme marqueur candidat dans l'analyse de la diversité génétique des palmiers dattiers.

Mots clés : Palmier dattier, Marqueurs SSR, Diversité génétique, Extraction d'ADN, Sélection, Amélioration génétique.