

Profils phénotypiques et génotypiques de résistance aux antibiotiques de souches bactériennes isolées à partir de lait de mammite en Algérie

Saidi R.¹*, Cantekin Z.², Khelef D.³, Ergun Y.⁴, Solmaz H.⁵ et Kaidi R.⁶.

1 : Département d'agronomie, Université Teliidji Amar, BP 37G, Route de Ghardaïa, 03000 Laghouat, Laboratoire des biotechnologies liées à reproduction animale, Université Saad Dahleb, Blida, Algérie.

2 : Université Mustafa Kemal, Faculté de Médecine Vétérinaire, Département de microbiologie, Tayfur Sokmen Campus 31000 Hatay, Turquie.

3 : Ecole Nationale Vétérinaire Supérieure d'Alger, BP 161 Hacène Badi El Harrach, Alger, Algérie.

4 : Université Mustafa Kemal, Faculté de Médecine Vétérinaire, Département d'obstétrique et de gynécologie, Tayfur Sokmen Campus 31000 Hatay, Turquie.

5 : Université Yüzüncü Yıl, Faculté de Pharmacie, Département de microbiologie pharmaceutique, Campus, 65100 Van, Turquie.

6 : Institut des Sciences Vétérinaires, Laboratoire des biotechnologies liées à la reproduction animale, Université Saad Dahleb, BP: 270, route de Soumaa, Blida, Algérie.

Correspondance : saidi.radhwane@yahoo.fr

Résumé

L'objectif de cette étude était d'enquêter sur l'identification phénotypique et génotypique in vitro de la sensibilité aux antibiotiques des 21 staphylocoques (10 *Staphylococcus aureus* et 11 staphylocoques coagulase négative) isolés de la mammite bovine à 12 antibiotiques fréquemment utilisés en médecine vétérinaire en Algérie. Les isolats ont été testés pour les antibiotiques avec la méthode de disque de diffusion selon les normes du Comité national pour les lignes directrices cliniques de laboratoire sur gélose Mueller-Hinton, et les gènes résistants *mecA*, *blaZ*, *aac-aph*, *Erma*, *ERMC*, *tetK* et *TETM* ont été détectés par PCR. Les isolats de staphylocoques ont montré une résistance élevée à la pénicilline (95,23%), l'oxacilline (80,95%), clindamycine (80,95%), et à l'érythromycine (76,19%), mais pas de résistance de ces souches a été détectée pour la gentamicine. Parmi les 21 isolats de staphylocoques, 20 ont été jugées méthicilline résistantes et multi résistantes. La distribution des gènes résistants aux antibiotiques a été *mecA* (100%), *tetM* (100) suivie d'une *blaZ* (42,85%). Dans le présent travail, la détermination significative était la prévalence élevée des staphylocoques résistants à la méthicilline. La découverte de staphylocoques résistant à la méthicilline (SRM) de la mammite bovine est le premier rapport en Algérie et a révélé l'état d'isolats résistants au troupeau qui pourrait être utile dans le traitement, le contrôle de souches résistantes et pour décider la réforme des vaches.

Mots clés

Sensibilité, antimicrobiens, mammite, bovin, gènes de résistance, staphylocoques.